**DIFRAÇÃO DE RAIOS-X MONOCRISTAL**

**Informações sobre a amostra**

\*Nome/identificação da amostra: 

\*A estrutura é uma biomolécula?
Sim Não

\*Fórmula molecular: 
\*Fórmula estrutural (apenas UM arquivo JPG, PNG ou GIF; máximo 300 KB):
Obs: o requerente pode/deve apresentar mais de uma estrutura no mesmo arquivo, especialmente em caso de dúvida.
Neste caso, recomenda-se que a figura seja em orientação *landscape*.

A estrutura é inédita?
Sim Não
Em caso de já ser conhecida/reportada/depositada, informar referência/depósito/DOI:


Enantiomericamente pura
Sensível à temperatura (não expor o cristal à temperatura de 100K)
Sensível ao ar/umidade
Sensível à luz
Pode conter solvente na composição
Corrosiva
Explosiva
Tóxica

Outras análises já realizadas:
Análise elementar
Ponto de fusão
DRX de pó
RMN
MS
IR
Raman
UV-Vis
Polarimetria/Dicroismo circular
Outras: 

\*Solvente(s) usado(s) na síntese/cristalização:


Descrição sucinta da rota de síntese e/ou outras informações relevantes como subprodutos conhecidos, etc.:


**\*Informação cristalográfica desejada**

Apenas determinação dos parâmetros da cela unitária.

Apenas coleta de dados (registro de imagens).

Solução preliminar (serão produzidos arquivos necessários para o refinamento, como .hkl e .res, dentre outros)

Solução preliminar e configuração absoluta (só marque essa opção se a amostra for enantiomericamente pura; no arquivo com a fórmula estrutural, indique a designação R ou S esperada de cada centro quiral) se você está em dúvida, provavelmente essa não é a opção correta!