**DIFRAÇÃO DE RAIOS-X MONOCRISTAL**

**Informações sobre a amostra**

\*Nome/identificação da amostra:    
  
\*A estrutura é uma biomolécula?  
Sim Não  
  
\*Fórmula molecular:    
\*Fórmula estrutural (apenas UM arquivo JPG, PNG ou GIF; máximo 300 KB):   
Obs: o requerente pode/deve apresentar mais de uma estrutura no mesmo arquivo, especialmente em caso de dúvida.  
Neste caso, recomenda-se que a figura seja em orientação *landscape*.  
  
A estrutura é inédita?  
Sim Não  
Em caso de já ser conhecida/reportada/depositada, informar referência/depósito/DOI:  
   
  
Enantiomericamente pura  
Sensível à temperatura (não expor o cristal à temperatura de 100K)  
Sensível ao ar/umidade  
Sensível à luz  
Pode conter solvente na composição  
Corrosiva  
Explosiva  
Tóxica  
  
Outras análises já realizadas:  
Análise elementar  
Ponto de fusão  
DRX de pó  
RMN  
MS  
IR  
Raman  
UV-Vis  
Polarimetria/Dicroismo circular  
Outras:    
  
\*Solvente(s) usado(s) na síntese/cristalização:  
   
  
Descrição sucinta da rota de síntese e/ou outras informações relevantes como subprodutos conhecidos, etc.:  


**\*Informação cristalográfica desejada**

Apenas determinação dos parâmetros da cela unitária.  
  
Apenas coleta de dados (registro de imagens).  
  
Solução preliminar (serão produzidos arquivos necessários para o refinamento, como .hkl e .res, dentre outros)   
  
Solução preliminar e configuração absoluta (só marque essa opção se a amostra for enantiomericamente pura; no arquivo com a fórmula estrutural, indique a designação R ou S esperada de cada centro quiral) se você está em dúvida, provavelmente essa não é a opção correta!